TARIFAS DE LA UNIDAD DE GENÓMICA

Servicios		Muestra mínima	UNIDAD DE MEDIDA	Grupos de Instituciones (A)	Otros Org. Públicos (B)	Empresas (C)
Extracción de ácidos nucleicos: QUIACUBE		12	MINUTOS	5,66	6,23	8,04
Extracción de ácidos nucleicos: MAXWELL		16	MINUTOS	6,31	6,94	8,96
Cuantificación de ácidos nucleicos: NANODROP 2000		1	MINUTOS	1,36	1,49	1,93
Cuantificación de ácidos nucleicos: FLx800		40	MINUTOS	11,07	12,17	15,71
Secuenciación de ADN método Sanger doble cadena: AVANT GENETIC ANALIZER 3130XL		96	MINUTOS	16,14	17,76	22,92
Secuenciación de ADN por Pirosecuenciación		46	MINUTOS	6,84	7,52	9,71
Genotipado: QIAGEN		32	MINUTOS	2,57	2,83	3,65
Genotipado: APPLIED BIOSYSTEMS		96	MINUTOS	1,66	1,83	2,36
Genotipado: ROCHE		96	MINUTOS	1,69	1,86	2,40
Genotipado: ROCHE. Formato 384		384	MINUTOS	1,33	1,46	1,89
Análisis de Fragmentos: AVANT GENETIC ANALIZER 3130XL (con PCR)		96	MINUTOS	3,43	3,78	4,88
Análisis de Fragmentos: AVANT GENETIC ANALIZER 3130XL (sin PCR)		96	MINUTOS	1,93	2,13	2,75
Estudios Genéticos SANGER (desde la extracción de ADN hasta el informe)	GcK	1	MINUTOS	269,09	296,00	382,11
	HNF4A	1	MINUTOS	330,16	363,18	468,83
	HNF1A	1	MINUTOS	269,09	296,00	382,11
	HNF1B	1	MINUTOS	195,81	215,40	278,06
Estudios Genéticos con panel de 31 genes mediante exoma para diabetes monogénicas (ION TORRENT)	Panel para diabetes monogénicas	1	MINUTOS	306,64	337,30	404,76
HLA por secuenciación directa (ION TORRENT)	Determinación HLA para los locus DRB1, DRB3, DRB4 y DRB5.	1	MINUTOS	391,22	430,34	516,40
HLA por secuenciación directa (3.130 XL)		1	MINUTOS	71,35	78,49	101,32
	Locus B	1	MINUTOS	71,35	78,49	101,32
	Locus C	1	MINUTOS	71,35	78,49	101,32
	Locus DRB1	1	MINUTOS	71,35	78,49	101,32
Extracción de Mirna		1	MINUTOS	160,25	176,28	227,56
MLPA (Diabetes monogénica)		24	MINUTOS	192,14	211,35	272,84
Uso termociclador		1	MINUTOS	6,00	7,65	12,75
Asesoramiento (*)	Diseño de experimentos	1	MINUTOS	11,32	11,32	13,59

	Diseño de in sílice de oligonucleótidos	1	MINUTOS	21,37	21,37	25,65
Fluorimetría dsDNA 1 muestra		1	MINUTOS	2,14	2,36	3,04
Estudio de calidad y ajuste (Fluorimetría + Espectrofotometría) dsDNA		1	MINUTOS	3,92	4,32	5,57

Servicios	Muestra mínima	UNIDAD DE MEDIDA	Grupos de Instituciones (A)	Otros Org. Públicos (B)	Empresas (C)
Amplificación de ADN por PCR (autoservicio)	1	MINUTOS	0,72	0,79	1,02
Amplificación de ADN por PCR (con técnico)	1	MINUTOS	2,14	2,36	3,04
qPCR a tiempo real, SYBR Green (por duplicado en placa y 1 gen ref) (autoservicio)	1	MINUTOS	0,70	0,78	1,00
qPCR a tiempo real, SYBR Green (por duplicado en placa y 1 gen ref) (con técnico)	1	MINUTOS	2,49	2,73	3,53
qPCR a tiempo real, sondas UPL (por duplicado en placa y 1 gen ref) (autoservicio)	1	MINUTOS	0,70	0,78	1,00
qPCR a tiempo real, sondas UPL (por duplicado en placa y 1 gen ref) (con técnico)	1	MINUTOS	2,49	2,73	3,53
Reacción de retrotranscripción (autoservicio)	1	MINUTOS	0,36	0,40	0,51
Reacción de retrotranscripción (con técnico)	1	MINUTOS	2,14	2,36	3,04
Reacción de retrotranscripción kit Roche (autoservicio)	1	MINUTOS	4,65	5,12	6,60
Análisis de Fragmentos (**)	16	MINUTOS	16,24	17,86	23,06
Reacción de retrotranscripción kit Roche (con técnico)	1	MINUTOS	6,43	7,07	9,13
Cuantificación ADN/ARN por NanoDrop (por muestra) (autoservicio)	1	MINUTOS	0,08	0,09	0,11
Análisis de microbiota 16s	60	MUESTRA	172,00	189,20	227,04
Hidroximetilación(Conversión/oxidación)	22	MUESTRA	29,49	32,44	41,87
Hidroximetilación (amplificación)		MUESTRA	7,44	8,18	10,56
Hidroximetilación (Pirosecuenciación)		MUESTRA	13,46	14,80	19,10
Metilación (Conversión)	46	MUESTRA	5,14	5,65	7,30
Metilación (amplificación)	1	MUESTRA	3,72	4,09	5,28
Metilación de ADN por Pirosecuenciación	46	MUESTRA	6,73	7,4	9,55
ARRAYS (expresión, SNPs) /NGS (DNA, RNA, microbiota) Librería automatizada o manual.	1	MINUTOS	Consultar al responsable de la ECAI.		