

TARIFAS UNIDAD DE GENÓMICA.

Categoría	Servicio	Muestra mínima	Unidad de medida	Interna (A)	OPI (B)	Empresa (C)
TRANSCRIPTÓMICA ESPACIAL	Stereo-seq for FFPE	4	Ensayos	3300	3630	4356
TRANSCRIPTÓMICA BULK (RNAseq)	3'RNAseq	8	Ensayos	55	60,5	72,6
TRANSCRIPTÓMICA BULK (RNAseq)	Full-length mRNAseq, stranded, 30 million reads	8	Ensayos	140	154	184,8
TRANSCRIPTÓMICA BULK (RNAseq)	Full-length mRNAseq, stranded	8	Ensayos	80	88	105,6
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium GEM-X Flex v2 Single Cell 3' RNAseq - Multiplex - Mouse (16 muestras min.)	16	Ensayos	1370	1507	1808,4
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium GEM-X Flex v2 Single Cell 3' RNAseq - Multiplex - Human (16 muestras min.)	16	Ensayos	1370	1507	1808,4
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium GEM-X Flex v2 Single Cell 3' RNAseq - Mouse (4 muestras min.)	4	Ensayos	1441	1585,1	1902,12
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium GEM-X Flex v2 Single Cell 3' RNAseq - Human (4 muestras min.)	4	Ensayos	1441	1585,1	1902,12
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium GEM-X Flex v2 Single Cell 3' RNAseq - Multiplex - Mouse (16 muestras min.) - Autoservicio	16	Ensayos	1200	1320	1584
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium GEM-X Flex v2 Single Cell 3' RNAseq - Multiplex - Human (16 muestras min.) - Autoservicio	16	Ensayos	1200	1320	1584
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium GEM-X Flex v2 Single Cell 3' RNAseq - Mouse (4 muestras min.) - Autoservicio	4	Ensayos	1280	1408	1689,6
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium GEM-X Flex v2 Single Cell 3' RNAseq - Human (4 muestras min.) - Autoservicio	4	Ensayos	1280	1408	1689,6
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium Next GEM-X Single Cell 3' RNAseq (4 muestras min.) (20k reads - 15k cells)	4	Ensayos	3550	3905	4686
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium Next GEM-X Single Cell 3' RNAseq (4 muestras min.) (20k reads - 15k cells) - Autoservicio	4	Ensayos	3350	3685	4422

TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium Next GEM-X Single Cell 3' RNAseq (16 muestras min.) (20k reads - 15k cells)	16	Ensayos	3050	3355	4026
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium Next GEM-X Single Cell 3' RNAseq (16 muestras min.) (20k reads - 15k cells) - Autoservicio	16	Ensayos	2800	3080	3696
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium Next GEM-X Single Cell 3' RNAseq (4 muestras min.)	4	Ensayos	3000	3300	3960
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium Next GEM-X Single Cell 3' RNAseq (4 muestras min.) - Autoservicio	4	Ensayos	2760	3036	3643,2
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium Next GEM-X Single Cell 3' RNAseq (16 muestras min.)	16	Ensayos	2460	2706	3247,2
TRANSCRIPTÓMICA SINGLE-CELL / 10x	Chromium Next GEM-X Single Cell 3' RNAseq (16 muestras min.) - Autoservicio	16	Ensayos	2230	2453	2943,6
EXTRACCIÓN / PURIFICACIÓN DE ÁCIDOS NUCLEICOS	Extraccion de RNA y DNA FFPE: MAXWELL	8	Ensayos	24	26,4	31,68
EXTRACCIÓN / PURIFICACIÓN DE ÁCIDOS NUCLEICOS	Extraccion de ccfDNA Plasma (Large Volumen, 8mL): MAXWELL	8	Ensayos	27	29,7	35,64
EXTRACCIÓN / PURIFICACIÓN DE ÁCIDOS NUCLEICOS	Extraccion de DNA Sangre: MAXWELL	8	Ensayos	15	16,5	19,8
EXTRACCIÓN / PURIFICACIÓN DE ÁCIDOS NUCLEICOS	Extraccion de DNA Tejido/Celulas: MAXWELL	8	Ensayos	17	18,7	22,44
EXTRACCIÓN / PURIFICACIÓN DE ÁCIDOS NUCLEICOS	Extraccion de Fecal Microbiome DNA: MAXWELL	8	Ensayos	20	22	26,4
EXTRACCIÓN / PURIFICACIÓN DE ÁCIDOS NUCLEICOS	Extraccion de RNA Sangre: MAXWELL	8	Ensayos	19,5	21,45	25,74
EXTRACCIÓN / PURIFICACIÓN DE ÁCIDOS NUCLEICOS	mRNA Purification (desde Total RNA, soft tissue, cells) - Manual	8	Ensayos	6	6,6	7,92
EXTRACCIÓN / PURIFICACIÓN DE ÁCIDOS NUCLEICOS	Extraccion de microRNA de Plasma: MAXWELL	8	Ensayos	17	18,7	22,44

EXTRACCIÓN / PURIFICACIÓN DE ÁCIDOS NUCLEICOS	Extraccion de DNA - Manual - Heces	8	Ensayos	14	15,4	18,48
PREPARACIÓN DE LIBRERÍAS NGS	Librería Illumina® 5-Base DNA (metilacion sin Conversion Bisulfito)	8	Ensayos	150	165	198
PREPARACIÓN DE LIBRERÍAS NGS	Librería bulk ATAC-seq	8	Ensayos	140	154	184,8
PREPARACIÓN DE LIBRERÍAS NGS	Librería Shotgun library	8	Ensayos	20	22	26,4
PREPARACIÓN DE LIBRERÍAS NGS	Librería Amplicon DNA 16S	8	Ensayos	38	41,8	50,16
PREPARACIÓN DE LIBRERÍAS NGS	Librería DNA-seq (8 muestras min.)	8	Ensayos	36	39,6	47,52
PREPARACIÓN DE LIBRERÍAS NGS	SPRI beads Size Selection (8 muestras min.)	8	Ensayos	18	19,8	23,76
PREPARACIÓN DE LIBRERÍAS NGS (ION TORRENT)	Transcriptome Human Gene Expression CHEF-ready - Torrent (24 muestras min.)	24	Ensayos	560	616	739,2
PREPARACIÓN DE LIBRERÍAS NGS (ION TORRENT)	Transcriptome Human Gene Expression CHEF-ready - Torrent (32 muestras min.)	32	Ensayos	425	467,5	561
SECUENCIACIÓN NGS	PCR-seq + 1Gb PE150 (8 muestras min., 8x pool)	8	Ensayos	50	55	66
SECUENCIACIÓN NGS	1Gb PE150	1	Ensayos	7	7,7	9,24
SECUENCIACIÓN NGS	Secuenciacion 10million reads 150PE SBS	1	Ensayos	20	22	26,4
SECUENCIACIÓN NGS	Librería Shotgun + 30 millions reads PE150	8	Ensayos	75	82,5	99
SECUENCIACIÓN NGS	Librería Exome-seq Human+Mitocond (12Gb, 150PE) (8 muestras min.)	8	Ensayos	140	154	184,8
SECUENCIACIÓN NGS	Libreria miRNAseq + 10 million reads PE150	8	Ensayos	110	121	145,2
PANELES DIRIGIDOS ION TORRENT / AMPLISEQ / ONCOMINE	Sequencing Ion 540 - Torrent (32 muestras min., 8 / chip) CHEF	32	Ensayos	260	286	343,2
PANELES DIRIGIDOS ION TORRENT / AMPLISEQ / ONCOMINE	Generacion Automatizada de Libreria Ampliseq y Secuenciacion en Ion Torrent - reactivo no incluido (8 muestras min.)	8	Ensayos	125	137,5	165

PANELES DIRIGIDOS ION TORRENT / AMPLISEQ / ONCOMINE	Oncomine™ Comprehensive Assay v3C CHEF (8 muestras min.)	8	Ensayos	750	825	990
PANELES DIRIGIDOS ION TORRENT / AMPLISEQ / ONCOMINE	Oncomine™ Childhood Cancer Research Assay CHEF (8 muestras min.)	8	Ensayos	800	880	1056
PANELES DIRIGIDOS ION TORRENT / AMPLISEQ / ONCOMINE	Oncomine™ Myeloid Research Assay CHEF (8 muestras min.)	8	Ensayos	770	847	1016,4
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	HS D5000 Tapestation: Ladder - Autoservicio	1	Ensayos	9	9,9	11,88
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	HS D5000 Tapestation	8	Ensayos	5,5	6,05	7,26
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	Genomic gDNA Tapestation	8	Ensayos	5	5,5	6,6
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	Genomic gDNA Tapestation: Ladder	1	Ensayos	12	13,2	15,84
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	HS D5000 Tapestation: Ladder	1	Ensayos	8,5	9,35	11,22
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	HS D1000 Tapestation: Ladder	1	Ensayos	12	13,2	15,84
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	Qubit RNA HS	8	Ensayos	2	2,2	2,64
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	Qubit dsDNA HS	8	Ensayos	1,9	2,09	2,508
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	HS D1000 Tapestation	8	Ensayos	5,2	5,72	6,864
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	HS RNA Tapestation: sample	8	Ensayos	4	4,4	5,28
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	HS RNA Tapestation: Ladder	1	Ensayos	9,3	10,23	12,276

CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	HS D1000 Tapestation: Ladder - Autoservicio	1	Ensayos	10	11	13,2
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	HS D1000 Tapestation - Autoservicio	1	Ensayos	4,5	4,95	5,94
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	HS RNA Tapestation: sample - Autoservicio	1	Ensayos	3,35	3,685	4,422
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	HS RNA Tapestation: Ladder - Autoservicio	1	Ensayos	8,3	9,13	10,956
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	Qubit RNA HS - Autoservicio	1	Ensayos	1,7	1,87	2,244
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	Qubit dsDNA HS - Autoservicio	1	Ensayos	1,5	1,65	1,98
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	QC DNA (Qubit+Tape)	8	Ensayos	7	7,7	9,24
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	QC RNA (Qubit+Tape)	8	Ensayos	15	16,5	19,8
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	QC Library (Qubit+Tape)	8	Ensayos	7	7,7	9,24
CONTROL DE CALIDAD / CUANTIFICACIÓN	Cuantificación de ácidos nucleicos: NANODROP 2000	8	Ensayos	5	5,5	6,6
PCR / qPCR / RT / PIROSECUENCIACIÓN	Retrotranscripcion RNA	8	Ensayos	7,5	8,25	9,9
PCR / qPCR / RT / PIROSECUENCIACIÓN	Retrotranscripcion RNA - Autoservicio	1	Ensayos	5,5	6,05	7,26
PCR / qPCR / RT / PIROSECUENCIACIÓN	qPCR SYBR (per well 384 reaction) 8 muestras min., 16 wells	8	Ensayos	1,75	1,925	2,31
PCR / qPCR / RT / PIROSECUENCIACIÓN	qPCR SYBR (per well 384 reaction) 8 muestras min., 16 wells - Autoservicio	8	Ensayos	1,25	1,375	1,65

PCR / qPCR / RT / PIROSECUENCIACIÓN	Amplificación de ADN por PCR	8	Ensayos	5	5,5	6,6
PCR / qPCR / RT / PIROSECUENCIACIÓN	Pirosecuenciacion		Ensayos	Consultar	Consultar	Consultar
PCR / qPCR / RT / PIROSECUENCIACIÓN	qPCR a tiempo real, sondas Taqman		Ensayos	Consultar	Consultar	Consultar
PROTEÓMICA / OLINK	Librería Olink Protein-seq Reveal 1000 (86 muestras min.)	80	Ensayos	120	132	158,4
ASESORÍA / DISEÑO / OTROS	Diseño de oligos (por diana)		Ensayos	6	6,6	7,92
ASESORÍA / DISEÑO / OTROS	Material Adicional Extraordinario		Ensayos	Consultar	Consultar	Consultar
ASESORÍA / DISEÑO / OTROS	Sondas de captura por hibridacion - Diseño especifico		Ensayos	Consultar	Consultar	Consultar
ASESORÍA / DISEÑO / OTROS	Diseño de libreria para secuenciacion custom		Ensayos	Consultar	Consultar	Consultar
ASESORÍA / DISEÑO / OTROS	1 hrs de Asesoramiento / Planificación/ Logistica /Diseño Experimental		Minutos	40	44	52,8
ASESORÍA / DISEÑO / OTROS	Diseño de oligonucleotidos in silico		Ensayos	20	22	26,4